МИНИСТЕРСТВО ЗДРАВООХРАНЕНИЯ РЕСПУБЛИКИ БЕЛАРУСЬ



МЕТОД ОПРЕДЕЛЕНИЯ МУТАЦИЙ РЕЗИСТЕНТНОСТИ ВИРУСА ГЕПАТИТА С К ИНТЕРФЕРОНУ И РИБАВИРИНУ

инструкция по применению

УЧРЕЖДЕНИЕ – РАЗРАБОТЧИК: Государственное учреждение «Республиканский научно-практический центр эпидемиологии и микробиологии»

АВТОРЫ: к.б.н., доцент Гасич Е.Л., д.м.н. Еремин В.Ф., Домнич С.В., Немира А.С.

МИНИСТЕРСТВО ЗДРАВООХРАНЕНИЯ РЕСПУБЛИКИ БЕЛАРУСЬ

УТВЕРЖДАЮ
Первый заместитель министра
Д.Л. Пиневич
21.12.2015
Регистрационный № 227-1215

МЕТОД ОПРЕДЕЛЕНИЯ МУТАЦИЙ РЕЗИСТЕНТНОСТИ ВИРУСА ГЕПАТИТА С К ИНТЕРФЕРОНУ И РИБАВИРИНУ

инструкция по применению

УЧРЕЖДЕНИЕ-РАЗРАБОТЧИК: ГУ «Республиканский научно-практический центр эпидемиологии и микробиологии»

АВТОРЫ: канд. биол. наук, доц. Е.Л. Гасич, д-р мед. наук В.Ф. Еремин, С.В. Домнич, А.С. Немира

В настоящей инструкции по применению (далее — инструкция) изложен метод секвенирования соге и NS5A участков генома ВГС, позволяющего определить мутации резистентности ВГС к лекарственным средствам противовирусной терапии (интерферону и рибавирину). Инструкция может быть использована в комплексе медицинских услуг, направленных на лечение вирусного гепатита С.

Инструкция предназначена для врачей-вирусологов и иных специалистов организаций здравоохранения, оказывающих медицинскую помощь пациентам с ВГС-инфекцией.

ПЕРЕЧЕНЬ НЕОБХОДИМОГО ОБОРУДОВАНИЯ, РЕАКТИВОВ, СРЕДСТВ, ИЗДЕЛИЙ МЕДИЦИНСКОЙ ТЕХНИКИ

Оборудование и материалы для сбора клинических образцов:

Вакутайнеры с ЭДТА с переходником для забора крови.

Оборудование для проведения ПЦР и секвенирования:

- 1. Термоциклер.
- 2. Центрифуги с охлаждением на 14000 об./мин.
- 3. Центрифуга типа «Эппендорф».
- 4. ПЦР-боксы.
- 5. Аппарат для горизонтального электрофореза в агарозном геле с источником питания.
 - 6. Гельдокументирующая система.
 - 7. Три комплекта автоматических дозаторов.
 - 8. Вортекс.
 - 9. Твердотельный термостат.
 - 10. Генетический анализатор.
 - 11. Морозильник с температурой -20°C.
- 12. Пластиковые пробирки (1,5; 0,2; 2 мл) и наконечники с фильтрами для автоматических дозаторов (1-10; 10-100; 100-1000 мкл).

Реагенты для проведения ПЦР и секвенирования

- 1. Праймеры.
- 2. Реагенты для обратной транскрипции (рэндом-гексамеры, обратная транскриптаза, ингибитор РНКаз, 5х буфер, смесь дезоксинуклеотидов, деионизированная вода).
- 3. Реагенты для проведения $\Pi \coprod P$ (Таq-полимераза с 10x буфером, Mg^{2+} , смесь дезоксинуклеотидов, деионизированная вода).
- 4. Реагенты для проведения секвенирующей ПЦР (праймеры, BigDyeTerminator v.3.1, 5х буфер, деионизированная вода).
 - 5. HiDi Formamid.
 - 6. Агароза.
 - 7. Маркер молекулярного веса.
 - 8. Колонки для очистки продуктов ПЦР.
- 9. Реагенты для очистки продуктов после секвенирующей ПЦР (смесь нуклеаз и фосфатаз).
 - 10. Комплект реагентов для выделения РНК ВГС любого производителя.

11. Стандартное программное обеспечение для анализа нуклеотидных последовательностей.

ПОКАЗАНИЯ К ПРИМЕНЕНИЮ

Вирус гепатита С, устойчивый к действию интерферона и рибавирина.

ПРОТИВОПОКАЗАНИЯ ДЛЯ ПРИМЕНЕНИЯ

Отсутствуют.

ОПИСАНИЕ ТЕХНОЛОГИИ ИСПОЛЬЗОВАНИЯ МЕТОДА

Для определения мутаций резистентности ВГС к интерферону и рибавирину проводится секвенирование ПЦР-амплифицированной области участков генов соге и NS5A.

- 1. Правила забора, транспортировки и хранения клинических образцов Забор крови с ЭДТА и ее пробоподготовку осуществляют общепринятыми методами.
- 2. Молекулярно-генетические исследования с целью определения мутаций резистентности ВГС к интерферону и рибавирину

 $Bыделение\ PHK\ B\Gamma C$. Выделение PHK BГС из сыворотки/плазмы проводится в соответствии с инструкцией коммерческой тест-системы, предназначенной для выделения PHK из плазмы/сыворотки крови.

Обратная транскрипция. Обратная транскрипция по участкам генов соге и NS5Ф BГС проводится с рэндом-гексамерами в объеме 20 мкл по следующей прописи: смесь № 1: рэндом гексамеры — 100 пкмоль, исследуемый образец — 10 мкл. Добавить исследуемую РНК ВГС к праймеру, осторожно перемешать, поместить в термостат при температуре 65°С и прогреть пробу в течение 5 мин, охладить до 25°С. Приготовить смесь №2: 5x PT-буфер, обратная транскриптаза — 40 U, смесь трифосфатов — 1 мМ, ингибитор РНКаз — 20 U, бидистиллированная вода — 7.7 мкл. Осторожно перемешать и центрифугировать смеси №№ 1 и 2, поставить в амплификатор при 25°С на 10 мин, затем при 37°С в течение 60 мин, поместить на лед.

Амплификация по участку гена core BГС

С полученной кДНК выполнены 2 раунда амплификации с парами праймеров, специфичных для участка гена, кодирующего соге участок генома ВГС:

- для проведения 1 раунда ПЦР:

fw E14 5'-GGA GCA GTC CTT CGT GAC ATG-3' (поз. 60–624)

rw Cc11 5'-GCC ATA GTG GTC TGCGGA AC-3' поз.

- для проведения 2 раунда ПЦР:

fw E14 5'-GGA GCA GTC CTT CGT GAC ATG-3'(no3 172–604)

rw Cc9 5'-GCT AGC CGA GTA GTG TT-3'.

- В состав реакционной смеси (25 мкл), необходимой для исследования одного образца ДНК, входят следующие компоненты:
- 1 раунд: $MgCl_2$ 2,0 мМ, смесь трифосфатов 0,2 мМ, праймеры по 0,5 мМ, 1х ПЦР-буфер, Таq-полимераза 1,25 U, кДНК 1 мкл. Режим

амплификации: 95°C — 5 мин; 95°C — 1 мин, 55°C — 1 мин, 72°C — 2 мин (35 повторов);72°С — 7 мин.

2 раунд: $MgCl_2$ — 2,0 мМ, смесь трифосфатов — 0,2 мМ, праймеры по 0,5 мМ, 1х ПЦР-буфер, Таq-полимераза — 1,25 U, кДНК — 2 мкл. Режим амплификации: $95^{\circ}C$ — 5 мин; $95^{\circ}C$ — 1 мин, $55^{\circ}C$ — 1 мин, $72^{\circ}C$ — 2 мин (35 повторов); $72^{\circ}C$ — 7 мин. В качестве отрицательного контроля используется деионизированная вода.

Результаты электрофоретической детекции амплификации фрагмента core участка генома BГС представлены на рисунке 1.

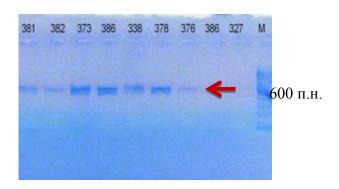


Рисунок 1. — Результаты электрофоретической детекции соге участка генома ВГС (381, 382, 373, 386, 338, 378, 386, 327 исследуемые пробы; М — маркер молекулярного веса)

Амплификация по участку гена NS5A BГС

Праймеры для определения мутаций резистентности в NS5A участке ВГС разработаны для постановки в «гнездовом» варианте:

- для проведения 1 раунда ПЦР:

ISDR1 5'-ATG CCC ATG CCA GGT TCC AG-3'(πο3. 6662–6681)

ISDR2 5'-AGC TCC GCC AAG GCA GAA GA-3' (поз. 7350–7369)

- для проведения 2 раунда ПЦР:

ISDR3 5'-ACC GGA TGT GGC AGT GCT CA-3' (поз. 6824–6843)

ISDR4 5'-GTA ATC CGG GCG TGC CCA TA-3'(πο3. 7189–7268)

Концентрации ПЦР смеси и режим амплификации аналогичны амплификации соге участка генома ВГС. Размер амплифицированного продукта составляет 707 п.н. (рисунок 2).

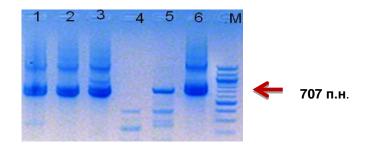


Рисунок 2. — Результаты электрофоретической детекции: 1–5 — исследуемые пробы; М — маркер молекулярного веса

Секвенирующая ПЦР:

Специфические ампликоны очищают после ПЦР стандартными методами и проводят секвенирующую ПЦР. Состав реагентов:

- Big Dyeterminator v.3.1;
- BD Dilution Buffer для ABI генетического анализатора;
- прямой и обратный праймеры (10 пкмоль) к соге участку генома ВГС:

fw E14 5'-GGA GCA GTC CTT CGT GAC ATG-3'

rw Cc9 5'-GCT AGC CGA GTA GTG TT-3'

- прямой и обратный праймеры (10 пкмоль) к NS5A участку генома ВГС

ISDR3 5'-ACC GGA TGT GGC AGT GCT CA-3'

ISDR4 5'-GTA ATC CGG GCG TGC CCA TA-3'

- амплифицированный и очищенный образец;
- деионизированная вода.

Работа проводится на льду!

Секвенирующая ПЦР в объеме 20 мкл по следующей прописи: 4,0 мкл прямого или обратного праймера (10 пкмоль), 1 мкл Bigdye terminator v.3.1, 1,5 мкл ПЦР продукта (концентрация 10 нг), 7 мкл Bigdye буфера, 6,5 мкл деионизированной воды. Режим амплификации: 96° C — 5 мин; 95° C — 10 с, 50° C — 5 с, 60° C — 2 мин (25 повторов); 4° C — хранение.

Продукты секвенирующей ПЦР очищаются от невключенных нуклеотидов методом преципитации.

Секвенирование продуктов ПЦР

К очищенной пробе добавить по 20 мкл Hi–DiTM Formamide, перемешать 5 с на вортексе, сбросить кратким центрифугированием капли со стенок эппендорфов. Поместить пробирки в термостат при 95°C на 2 мин, немедленно поместить образцы на лед. Подготовленные пробы внести по 10 мкл в планшет генетического анализатора.

Определение мутаций резистентности ВГС к рибавирину и интерферону

Выполнить биоинформационный анализ результатов капиллярного электрофореза с помощью стандартного программного обеспечения. Для определения мутаций резистентности ВГС используются референсная нуклеотидная последовательности D11168.1|HPCJTA из Международной базы данных GenBank (рисунок 3).

В случае замены в позиции aa70 Arg на Gln/His и/или aa 91Leu на Met91 в соге участке ВГС ожидается плохой ответ на терапию интерфероном и рибавирином (рисунок 3).



Рисунок 3. — Аминокислотная последовательность соге региона ВГС (позиции в геноме D11168.1 342 п.н.)

Для определения чувствительности к интерферону (ISDR) проанализировать участок от 2209 до 2248 аминокислот NS5A участка BГС-1b подгенотипа. В случае выявления более 2-х мутаций по данной области генома по сравнению с прототипным вариантов вируса (HPCJTA) ожидается успешный ответ на терапию (рисунок 4).

	aa2204	участ	ιοκ	ISE		۷∠		يار 80	1111		10		•
D11168.1 HPCJTA	SAPSL	KATCT	THE	DSE	DA	LIE	ANLLWRQ	EMG	GNIT	RVE	BEN	ΚV	7 I]
D90208.1 HPCJCG												٠.	
1419			. R		٠	4							
1420			. v		٧	 m		₩.	7.7	• • •		• •	
1481 1485			···		V	т.		٧.					
381-MS								Ü					
396 MS			. R			ļ							
398-MS											٠		
416						ļ		٠.,				.I	
418			.R		٠.					• • •	٠.	٠	
419c			أية		\ <u>-</u> -	<u> </u>							

Рисунок 4. — Аминокислотные последовательности ISDR участка NS5A региона ВГС

Для определения резистентности ВГС к интерферону проанализировать аминокислотный участок в позициях от 2334 до 2379 (IRRDR). Значение IRRDR \geq 6 считается предиктором достижения устойчивого вирусологического ответа на лечение интерфероном, в то время как определение IRRDR \leq 5 свидетельствует о возможном негативном ответе на лечение (рисунок 5).

аа2334 участок IRRDR

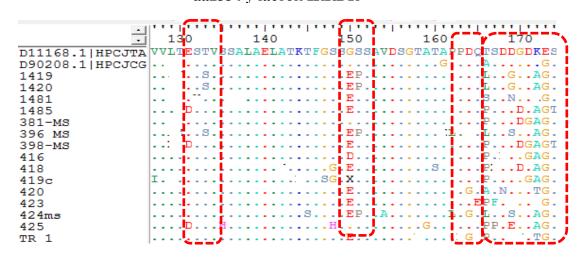


Рисунок 5. — Аминокислотные последовательности IRRDR участка NS5A региона ВГС

ПЕРЕЧЕНЬ ВОЗМОЖНЫХ ОСЛОЖНЕНИЙ ИЛИ ОШИБОК ПРИ ВЫПОЛНЕНИИ И ПУТИ ИХ УСТРАНЕНИЯ

Все реакции отрицательные, включая	Пропущен компонент ПЦР-смеси,
положительный контроль	задан неправильный режим
	амплификации, использованы
	реагенты с истекшим сроком годности
Ампликон в отрицательной пробе	Реагенты контаминированы
Нет специфического ампликона	Вирусная нагрузка ниже 3000 копий
в исследуемой пробе несмотря на	РНК/мл
определяемую вирусную нагрузку	